



Origines évolutives des variations génétiques

Molly Przeworski

Paris • Collège de France/Fayard coll. Leçons inaugurales •
2019 • 80 p. •

D'où vient la variabilité génétique et pourquoi est-elle maintenue dans les populations, notamment chez l'être humain? L'ère du Big Data et la réduction très substantielle du coût du séquençage ont favorisé la mise en place de plateformes globales pour interroger la variation du génome des populations à l'échelle mondiale. Ainsi, il est aujourd'hui possible de reconstituer l'histoire généalogique et mutationnelle de l'être humain, et de comprendre les forces évolutives et génétiques qui ont affecté chaque région du génome, ce qui laisse entrevoir des avancées majeures dans le pronostic des maladies et dans la compréhension de l'évolution humaine.

Molly Przeworski est généticienne, spécialisée en biologie évolutive humaine et en biologie des systèmes. Diplômée des universités de Princeton et de Chicago avant de rejoindre le département de statistiques de l'université d'Oxford, elle a débuté sa carrière à l'Institut Max-Planck d'anthropologie évolutionniste de Leipzig et à l'université de Chicago. Actuellement professeure à Columbia University, elle a été invitée sur la chaire Innovation technologique Lilianne-Bettencourt du Collège de France pour l'année académique 2018-2019.